

ÖZGEÇMİŞ

Adı ve Soyadı: Cemalettin Bekpen

Akademik Unvanı: Dr. Öğretim Üyesi, Doktor der Naturwissenschaften (Dr. rer. nat)

İş Adresi: Bahçeşehir Üniversitesi, Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü, Beşiktaş, 34353 İstanbul-Türkiye

E-postası: cemalettin.bekpen@eng.bahcesehir.edu.tr, bekpen@evolbio.mpg.de

Web-adresi: <http://humancoreduplicons.boun.edu.tr>

Bildiği Yabancı Diller: İngilizce (akıcı), Almanca (iyi B1-seviyesi)

Uzmanlık Alanı: Moleküler Biyoloji, Genetik, Hesaplama Biyoloji, Bioinformatic, Evrimsel Biyoloji

Derece	Bölüm/Program	Üniversite	Yıl
Lisans	Biyoloji	Abant İzzet Baysal Üniversitesi	1998
Y. Lisans	Biyolojik Bilimler,	Orta Doğu Teknik Üniversitesi	2001
Doktora	Hücre Genetiği, Genetik	Köln Üniversitesi, Genetik Enstitüsü,	2006

Görevler:

Görev Unvanı	Görev Yeri	Yıl
Araştırma Görevlisi	Abant İzzet Baysal Üniversitesi, Biyoloji	1998-1999
Araştırma Görevlisi	Orta Doğu Teknik Üniversitesi, Biyolojik Bilimler	1999-2001
Doktora Sonrası Tam Zamanlı Araştırmacı	Washington Üniversitesi, Genom Bilimleri, Seattle, Amerika	2006-2009
Araştırma Öğretim Görevlisi	Boğaziçi Üniversitesi, Moleküler Biyoloji ve Genetik	2010-2013
Ziyaretçi Bilim Adamı	İsviçre Astım ve Allerji Araştırma Enstitüsü, İsviçre	2011-2012
Proje Lideri, Doktora Sonrası Tam Zamanlı Araştırmacı	Max-Planck Evrimsel Biyoloji Enstitüsü, Moleküler Evrimsel Genetik Bölümü, Almanya	2013- 2018, 2018-şimdi (Associated)
Dr. Öğretim Üyesi	Bahçeşehir Üniversitesi, Moleküler Biyoloji ve Genetik	2020-şimdi

Yüksek Lisans Tez Başlığı ve Danışmanı:

“DNA isolation and PCR amplification from sheep samples obtained by non-destructive sampling”
Danışman Öğretim Üyesi: Prof. Dr. Inci Togan.

Doktora Tezi Başlığı ve Danışmanı:

“Evolutionary and functional studies of p47 GTPases involved in cell autonomous immunity”
Danışman Öğretim Üyesi: Prof. Dr. Jonathan C. Howard

Yönetilen Yüksek Lisans Tezleri:

- Mustafa Uğur Baş, İnsan Genomundaki özel duplikasyon bölgelerinde bulunan SMA gen ailesinin araştırılması ve işlevsel olarak tanımlanması, Boğaziçi Üniversitesi, Moleküler Biyoloji ve Genetik, 2012-2013, Tamamlanmadı.

Yayınlar:

Uluslararası hakemli dergilerde yayınlanan makaleler (SCI & SSCI & Arts and Humanities)

*** Sorumlu Yazar**

1. Xie C., **Bekpen C.**, Künzel S., Keshavarz M., Krebs-Wheaton, R., Skrabar N., Ullrich K., Zhang W., Tautz D., (2020), Taking mouse knockout strains to the transcriptomic opera, *Submitted to PLoS Computationl Biology (Under review)*
2. Xie C., **Bekpen C.**, Künzel S., Keshavarz M., Krebs-Wheaton, R., Skrabar N., Tautz D., (2019), A de novo evolved gene in the house mouse regulates female pregnancy cycles, *Elife*, . [Epub ahead of print], doi: <https://doi.org/10.7554/eLife.44392>
3. ***Bekpen C.**, and Tautz D.*, (2019) Human Core Duplicons; Game Players or Game Changers?ö *Briefings in Functional Genomics*, doi: <https://doi.org/10.1093/bfgp/elz016>, Epub, Sept. 16
4. **Bekpen C.**, Xie C., Tautz D., (2018) Dealing with the adaptive immune system during de novo evolution of genes from intergenic sequences, *BMC Evolutionary Biology*. 18:121
5. ***Bekpen C.**, Xie C., Nebel A. and Tautz D.*,(2018) Involvement of *SPATA31* copy number variable genes in human lifespan, *Aging (Albany NY)*. 10:674-688.
6. ***Bekpen C.**, Kunzel S., Xie C., Eaaswarkhanth M., Lin YL., Gokcumen O., Akdis CA and Tautz D.*, (2017) Segmental duplications and evolutionary acquisition of UV damage response in the SPATA31 gene family of primates and humans, *BMC Genomics*, March 6, 18:222
7. Alkan C., Kavak P., Gökcümén O., Somel M., Ugurlu S., Dal E., Bilge BK, Gungor T., Sahinalp CS., Özören N.*., **Bekpen C.***, (2014) Whole genome sequencing of Turkish genomes reveals functional private alleles and impact of genetic interactions with Europe, Asia and Africa, *BMC Genomics*, Nov 7;15(1):963.
8. Zaleska A, Eiwegger T, Soyer O, van de Veen W, Rhyner C, Soyka MB, **Bekpen C.**, Demiröz D, Treis A, Söllner S, Palomares O, Kwok WW, Rose H, Senti G, Kündig TM, Ozoren N, Jutel M, Akdis CA, Crameri R, Akdis M.(2014) Immune regulation by intralymphatic immunotherapy with modular allergen translocation MAT vaccine, *Allergy*, Sep;69(9):1162-70
9. ***Bekpen C.**, Tastekin I., Siswara P., Akdis CA., *Eichler EE. (2012) Primate segmental duplication creates novel promoters for the LRRK37 gene family within the 17q21.31 inversion polymorphism region, *Genome Research*, Jun;22(6):1050-8. Epub 2012 Mar 14.
10. Sin BA., Akdis M., Zumkehr J., Bezzine S., **Bekpen C.**, Lambeau G., Akdis CA., (2011) T Cell and Antibody Responses to Phospholipase A2 from Different Species Show Distinct Cross-Reactivity Patterns, *Allergy*, 66:12-1513
11. ***Bekpen C.**, Ramnik X., Eichler EE. (2010) Human IRGM gene “To be or not to be”, *Seminars in immunopathology*, Dec;32(4):437-44. Epub 2010 Aug 25.
12. **Bekpen C.**, Marques-B T., Alkan C., Kidd M. J., Siswara P., Antonacci F., Ventura M., Howard JC., Eichler EE. (2009) Death and Resurrection of the Human IRGM gene, *PLoS Genet* Mar;5(3):e1000403. Epub 2009 Mar 6
13. **Bekpen, C.**, Hunn, J. P., Rohde, C., Parvanova, I., Guethlein, L., Dunn, D. M., Glowalla, E., Leptin, M., and Howard, J. C. (2005). The interferon-inducible p47 (IRG) GTPases in vertebrates: loss of the cell autonomous resistance mechanism in the human lineage. *Genome Biol* 6, R92.
14. Leonhardt, R. M., Keusekotten, K., **Bekpen, C.**, and Knittler, M. R. (2005). Critical role for the tapasin-docking site of TAP2 in the functional integrity of the MHC class I-peptide-loading complex. *J Immunol* 175, 5104-5114

Uluslararası diğer dergilerde yayınlanan makaleler

1. ***Bekpen C.**, Baker C., Herbert M., Sahin HB., Johnson M., Celik A., Mullikin J., Eichler EE., (2017) Functional characterization of morpheus gene family, bioRxiv: doi: <https://doi.org/10.1101/116087>, March 12

Atıf (Web of Science Veritabanı) Bilgileri:

Yayın No:	Yayın Yılı:	< 2014	2014	2015	2016	2017	2018	2019	2020	Toplam*
1.	2019	0	0	0	0	0	0	1	0	1
2.	2018	0	0	0	0	0	0	4	0	4
3.	2018	0	0	0	0	0	0	3	0	3
4.	2017	0	0	0	0	0	1	2	0	3
5.	2014	0	1	8	8	6	5	4	1	33
6.	2014	0	0	5	5	3	9	4	0	26
7.	2012	2	3	0	1	2	2	2	0	12
8.	2011	2	2	4	0	0	1	0	0	9
9.	2010	12	4	1	1	0	1	2	0	21
10.	2009	46	5	2	7	5	5	3	0	73
11.	2005	120	15	7	13	8	13	11	0	187
12.	2005	31	3	4	2	2	1	1	0	44
Toplam		213	33	31	37	26	38	37	1	416

* Şubat 2020 yılı itibarı ile, 2019 review makalesi dahil değildir.

Uluslararası bilimsel toplantılar sunulan ve bildiri kitabı (Proceedings) basılan bildiriler

1. **Bekpen C**, and Tautz D., (6-9 September 2018), Involvement of SPATA31 copy number variable genes in human lifespan, Jena Aging Meeting, Jena/Germany, *Seminer Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*
2. **Bekpen C.**, Xie C., Nebel A. and Tautz D. (1-2 December 2017) Involvement of SPATA31 copy number variable genes in human lifespan, Annual Meeting of the German Foundation for Aging Research (DGfA), Cologne/Germany, *Seminer Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*
3. **Bekpen C.**, Tautz D. Birth of a new gene: the problem of self-tolerance versus autoimmune reaction SMBE 2017 / USA, *özet bildirimi*
4. **Bekpen C.**, Xie C., Nebel A. and Tautz D. (11-16 June 2017) Copy number variation of *SPATA31A* antagonistically correlates with germline and somatic mutation rates and shorter life span in humans, Gordon Research Conference, Molecular Mechanisms of Evolution, Boston/USA, *Seminer Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*
5. **Bekpen C.**, Tautz D. (14-17 Sep. 2016) Birth of a new gene: the problem of self-tolerance versus autoimmune reaction, 109th Annual Meeting of the German Zoological Society 2016 Kiel/ Germany, *Seminer Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*
6. **Bekpen C.**, Tautz D. Birth of a new gene: the problem of self-tolerance versus autoimmune reaction SMBE 2016 / Australia, *özet bildirimi*
7. **Bekpen C.**, Tautz D. Evolutionary and functional characterization of SPATA31 gene family SMBE 2015 / Austria, *özet bildirimi*
8. **Bekpen C.**, Tautz D. Evolutionary and functional characterization of Human Core Duplicons SMBE 2014 / Puerto Rico, *özet bildirimi*
9. Giannuzzi G., **Bekpen C.**, Siswara P., Ventura M., Eichler EE. (18-21 May. 2010) Evolution of LRRK37 primate gene family from a functional perspective, 14th Human Genome Meeting 2010 Montpellier/ France, *Seminer Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*
10. **Bekpen C.** (15-17 Apr. 2009) Comparative genomics analysis and dynamic structure of segmentally duplicated gene families, International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics, (HIBIT) Ankara / Turkey, *Davetli Konuşmacı*
11. **Bekpen et al.**, (2005) (10-12 Nov. 2005) The interferon-inducible p47 (IRG) GTPases in vertebrates: loss of the cell-autonomous resistance mechanism in the human lineage, International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics, (HIBIT) Antalya / Turkey, *Seminer Sunumu*
12. **Bekpen C.**, J. Hunn, I. Parvanova, E. Glowalla, L. Guethlein, J. Howard, (26-30 May. 2004) Systematics and evolution of the p47 resistance GTPases; Gain and loss of immune function, ENIL-EMBO Workshop on Mechanisms of Immunity, Ile des Embiez / France, *Seminer Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*,

- 13. Bekpen C., J. Hunn, S. Martens, I. Parvanova, S. Weisshaar, and J. Howard, (24-27 Sept. 2003)**
Mediators of cell-autonomous immunity: the p47 GTPases, 34th Annual Meeting of the German Society of Immunology, Berlin / Germany, Immunobiology, Volume 208, Number 1-3, 2003, *Seminler Sunumu ve seçilmiş özet bildirimi*,

Ödüller:

1. Visiting Scientist Fellowship, CK-CARE, Swiss institute of Allergy and Asthma Research, Davos, Switzerland, 2011 – 2012
2. Post-Doctoral Fellowship funded by HHMI (Howard Hughes Medical Institute), University of Washington, Genome Sciences, 2007 – 2009
3. Doktora Bursu, (IGSGFG) International Graduate School in Genetics and Functional Genomics, University of Cologne, 2001 – 2004
4. Yüksek Lisans Bursu (Öğretim Görevlisi Yetiştirme Programı), Yüksek Öğretim Kurumu, 1999 – 2001

Projeler :

1. TUBITAK-1001 112T421 (Mart-2012-2015) "İnsan Genomundaki özel duplikasyon bölgelerinde bulunan SMA gen ailesinin araştırılması ve işlevsel olarak tanımlanması"
2. TUBITAK-1001 112T168 (Mart-2012-2014) "Zebra balığında koku reseptör gen düzenleyici bölgelerin işlevsel karakterizasyonu", Proje Araştırmacısı
3. Boğaziçi Üniversitesi Araştırma Projeleri (BAP) 6080 (2011) "Functional Characterizations of LRRC37 and Morpheus gene families in human"
4. Boğaziçi Üniversitesi Yaşam bilimleri (BAP) (2011) (Co-pi)"Türkiye Genom Araştırması; farklı illerden örneklenmiş bilinen bir kalıtsal hastalığı bulunmayan 16 insan genomunun tamamı yeni nesil DNA dizileme cihazları ile dizilerek tek nükleotid polimorfizmi, kopya sayısı çeşitliliği, ve yapısal çeşitliliğin saptanması"(info: <http://turkiyegenomprojesi.boun.edu.tr/>)

Bilimsel ve Mesleki Kuruluşlara Üyelikler

1. Türkiye Moleküler Biyoloji Derneği

Ulusal Konferans (Düzenleyici)

1. **Türkiye Genom Araştırması, (20-21 Jan. 2012)**
(Genomiks Çağında Kişisel Tanı ve Tedavilere İlk Adım)
(info: <http://turkiyegenomprojesi.boun.edu.tr/workshop.html>)

Hakemlik Yaptığı Dergiler

1. **Genes** (2009 dan bu yana)
2. **Aging** (Albany-NY) (2019 dan bu yana)

Son iki yılda verdiği lisans ve lisansüstü düzeydeki dersler

Akademik Yıl	Dönem	Dersin Adı	Haftalık Saati		Öğrenci Sayısı
			Teorik	Uygulama	
2019-2020	Güz				
	Bahar	Biyoinformatiğe Giriş (MBG1002)	3	0	81
		Hesaplamalı Biyoloji II (MBG2004)	2	3	55
		Biyoinformatikte Hesaplama Metodları (MBG4059)	3	0	36